



## Plan de Gestión de Datos

<b>INFORMACIÓN SOBRE EL PROYECTO</b>	
<b>1. – Datos del Proyecto</b>	
<b>- Título del Proyecto (en castellano)</b>	
Efectos protectores del ambiente enriquecido sobre la obesidad	50620190100007LI
<b>- Título del Proyecto (en inglés)</b>	
Protective effects of the enriched environment on obesity	
<b>- Descripción del Proyecto (en castellano) Resumen</b>	
<p>Nuestro objetivo es estudiar si el ambiente enriquecido (EE) previene o revierte las alteraciones generadas por el exceso de nutrición en la lactancia sobre la expresión de la red de genes relacionados a la obesidad, evaluando las ventanas temporales en las que el EE ejerce sus acciones en forma predominante, y el rol de los mecanismos epigenéticos en dichas alteraciones. Ratas macho sean criadas en camadas pequeñas (SL) para generar obesidad en el periodo postnatal temprano. Los mecanismos homeostáticos que regulan la ingesta (representados principalmente por el hipotálamo) y los mecanismos hedónicos no homeostáticos que implican al sistema de recompensa cerebral son el eje de nuestros interrogantes. Objetivos específicos: 1. En ratas macho criadas en camadas pequeñas (SL) y sometidas a EE se evaluará: - La progresión de la curva de peso de los animales y su relación con los cambios en la ingesta, en la adiposidad y en los niveles circulantes de hormonas (leptina e insulina) y metabolitos como la glucosa. - La expresión de neuropéptidos orexígenos y anorexígenos y de receptores hormonales relacionados al control homeostático de la ingesta y del metabolismo (receptor de insulina, leptina y grelina), en diferentes núcleos hipotalámicos (núcleo paraventricular (PVN), arcuato (ARC), hipotálamo lateral (LH) y núcleo ventromediano (VMN)). - La expresión de integrantes de la vía de señalización del sistema de recompensa mesolímbico relacionado al control no homeostático de la ingesta en el área tegmental ventral (ATV), en el núcleo accumbens (NAc), en el ventral pallidum (VP) y en la amígdala (AMY). - Si estas alteraciones se relacionan con cambios en la conducta mediada por la dopamina hacia los alimentos, evaluadas a través de tests específicos (saciedad sensorial específica y de preferencia de lugar condicionada). 2. Evaluar si el EE y SL inducen modificaciones epigenéticas de secuencias regulatorias de los principales genes involucrados en la regulación de la ingesta y cuyos niveles de expresión génica sean afectados por el tratamiento. 3. Estudiar si el EE ejerce sus efectos en una ventana temporal determinada. Para ello implementaremos el EE desde el nacimiento, evaluando los parámetros arriba mencionados tanto al destete como en la edad adulta (PND 90). 4. Evaluar si los cambios inducidos por SL son revertidos por el EE. Para ello implementaremos el EE al destete y estudiaremos los parámetros arriba mencionados en animales jóvenes (PND 65).</p>	
<b>- Descripción del Proyecto (en inglés) Resumen</b>	
<p>Our objective is to study whether the enriched environment (EE) prevents or reverses the alterations generated by the excess of nutrition in lactation on the expression of the network of genes related to obesity, evaluating the time windows in which the EE exercises its actions predominantly, and the role of epigenetic mechanisms in these alterations. For this we propose an experimental model in which male rats will be raised in small litters (SL) to generate obesity in the early postnatal period. The homeostatic</p>	





metabolismo (receptor de insulina, leptina y grelina), en diferentes núcleos hipotalámicos (núcleo paraventricular (PVN), arcuato (ARC), hipotálamo lateral (LH) y núcleo ventromediano (VMN).

Registro de los datos de la expresión de integrantes de la vía de señalización del sistema de recompensa mesolímbico relacionado al control no homeostático de la ingesta en el área tegmental ventral (ATV), en el núcleo accumbens (NAc), en el ventral pallidum (VP) y en la amígdala (AMY)

Cuantificación de modificaciones epigenéticas de secuencias regulatorias de los principales genes involucrados en la regulación de la ingesta y cuyos niveles de expresión génica sean afectados por el tratamiento.

Los datos de peso serán registrados con balanza digital.

Los de parámetros hormonales y bioquímicos con lector de placas de ELISA y espectrofotómetros

La expresión de neuropéptidos, de las variaciones de las vías de señalización y de los estudios epigenéticos serán determinadas por estudio de real time PCR con el sistema de Applied Biosystem.

Los estudios de los test de conducta serán registrados con cámaras de video y cuantificados manualmente.

Las Inmunohistoquímicas serán evaluadas por análisis de imágenes digitalizadas con el software libre Image J.

Todos los datos serán analizados estadísticamente con los tests que correspondan para evaluar la existencia de diferencias significativas entre grupos con el software libre IBM SPSS Statistics 19.

**– Datos: ¿Existe alguna razón por la cual los datos declarados no deban ser puestos a disposición de la comunidad/ser de acceso público? (marque X)**

**SI. Elija una de las opciones:**

d- Otro.

Se solicita confidencialidad debido a que los resultados serán parte de una publicación científica en una revista especializada del área, para lo cual es necesario que los datos no hayan sido publicados con anterioridad.

**– Período de Confidencialidad: Es el período durante el cual los datos no deberían ser publicados, contado a partir del momento de la toma de los mismos. El período máximo para la no publicación es de 5 (CINCO) años posteriores a su obtención. Luego de este periodo, los datos estarán disponibles para la comunidad/serán de acceso público.**

**Si Ud. considera que este tiempo es insuficiente, y necesita prorrogar el período de confidencialidad, indique sus motivos y la cantidad de años adicionales que considera necesarios. Marque su opción con "X".**

**5 (CINCO) años**